

Laborleitung:
Dr. Gerald Webersinke
Doz. Dr. Otto Zach



Medizinische Leitung:
Prof. Dr. F. Moinfar Inst. f. klin. Pathologie und Molekularpathologie,
Priv.-Doz. Dr. H. Rumpold, Hämatologie & Onkologie,

Ordensklinikum Linz Barmherzige Schwestern
 Seilerstätte 4, A-4010 Linz
 Probenanlieferung: Stifterstraße 3 (3. OG), A-4010 Linz
 Telefon: 0732 / 7677-7597
 Fax: 0732 / 7677-7537
 e-mail: LMGD@ordensklinikum.at
 Web: www.ordensklinikum.at/LMGD

Patientenetikette

- ambulant**
- stationär**

Patient: Name, Geburtsdatum, Soz.Vers., Adresse, inkl. PLZ

Zuweisung zur hämato-onkologischen Diagnostik

Absender (bitte genaue Anschrift)	Material (Express Versand ungekühlt)
Stempel / Kontaktperson:	<p>EDTA für Molekulargenetik, Heparin für Zytogenetik/FISH</p> <p> <input type="checkbox"/> Peripheres Blut (10 ml EDTA UND Heparin) <input type="checkbox"/> <input type="checkbox"/> Knochenmark (5 ml EDTA UND Heparin) <input type="checkbox"/> Paraffinschnitte auf Objektträger (entparaffiniert) Histo Nr: <input type="checkbox"/> Paraffin Röllchen (<u>Röhrchen</u> mit 5 Schnitten je 10µM) </p> <p>Datum/Zeit der Probenentnahme:</p>

Klinische Angaben / Diagnose	(Anteil pathologischer Zellen: %)
<input type="checkbox"/> AML <input type="checkbox"/> MDS <input type="checkbox"/> Diagnose <input type="checkbox"/> CML <input type="checkbox"/> MPN <input type="checkbox"/> Verlauf <input type="checkbox"/> ALL <input type="checkbox"/> CLL <input type="checkbox"/> Rezidiv <input type="checkbox"/> Lymphom <input type="checkbox"/> Therapie <input type="checkbox"/> Sonstiges <input type="checkbox"/> KM-transplantiert Spender: <input type="checkbox"/> ♀ <input type="checkbox"/> ♂	

konventionelle Zytogenetik (aus Knochenmark obligat)

Myeloische Erkrankungen
<p><input type="checkbox"/> Myeloisches Genpanel (MPN, AML, MDS) ABL1, ASXL1, BCOR, BIRC3, BRAF, CALR, CBL, CEBPA, CSF3R, DNMT3A, ETV6, EZH2, FLT3, HRAS, IDH1/2, JAK2, KIT, KRAS, MPL, NF1, NPM1, NRAS, PTPN11, RUNX1, SETBP1, SF3B1, SRSF2, STAG2, TET2, TP53, U2AF1, WT1, ZRSR2</p> <p> <input type="checkbox"/> KIT D816V PCR (Einzeltest !) <input type="checkbox"/> JAK2 Exon12-Sequenzierung (Einzeltest !) <input type="checkbox"/> IDH1-R132 PCR (Einzeltest !) <input type="checkbox"/> BCR/ABL-Sequenzierung (TKI-Resistenz) </p> <p><input type="checkbox"/> Multiplex-PCR Translokationen (AML, CML)</p> <p><input type="checkbox"/> Split-out PCR für.....</p> <p><input type="checkbox"/> Quantitative PCR (Monitoring CML, AML, MPN)</p> <p> <input type="checkbox"/> BCR/ABL bei CML <input type="checkbox"/> CALR <input type="checkbox"/> RUNX1/RUNX1T1 <input type="checkbox"/> PML/RARA <input type="checkbox"/> CBFβ/MYH11 <input type="checkbox"/> WT1 <input type="checkbox"/> NPM1 exon12 <input type="checkbox"/> JAK2 V617F <input type="checkbox"/> FLT3 ITD </p> <p>HES <input type="checkbox"/> PDGFRα/PDGFRβ/FGFR1-FISH</p>
Stammzell-Transplantation
<p><input type="checkbox"/> Chimärismus Nachweis</p>

Lymphatische Erkrankungen
<p><input type="checkbox"/> Lymphatisches Genpanel (CLL, NHL) BCOR, BIRC3, BRAF, BTK, CXCR4, EZH2, KRAS, MYD88, NOTCH1, NRAS, PLCG2, SF3B1, TP53 u.a.</p> <p>NHL <input type="checkbox"/> high grade B-NHL-FISH MYC, BCL2, BCL6 <input type="checkbox"/> Immunglobulin-Rearrangement (Klonalität) <input type="checkbox"/> T-Zellrezeptor-Rearrangement (Klonalität) <input type="checkbox"/> t(14;18) BCL2 PCR <input type="checkbox"/> IGHV-Mutationsstatus <input type="checkbox"/> CLL-FISH-Panel del13q, ATM, TP53, +12 <input type="checkbox"/> CyclinD1/IGH-FISH t(11;14)(q13;q32) <input type="checkbox"/> MYC- o. MYC/IGH-FISH t(8q24) o. t(8;14) <input type="checkbox"/> BRAF V600E PCR</p> <p>Myelom <input type="checkbox"/> Myelom-FISH 1p32/q21, CCND1, IGH, ggf. TP53, FGFR3</p> <p>ALL <input type="checkbox"/> BCR/ABL-Mutat. TKI-Resistenz</p> <p><input type="checkbox"/> Quantitative PCR (Monitoring)</p> <p> <input type="checkbox"/> BCR/ABL bei ALL <input type="checkbox"/> CyclinD1 <input type="checkbox"/> SOX11 </p> <p><input type="checkbox"/> ALL MRD Patienten-spezifische Assays</p> <p> <input type="checkbox"/> Entwicklung <input type="checkbox"/> Verlauf <input type="checkbox"/> Multiplex-PCR Translokationen (ALL) </p> <p><input type="checkbox"/> Split-out PCR für.....</p>