

Laborleitung:
Dr. Gerald Webersinke
Doz. Dr. Otto Zach



Medizinische Leitung:
Prof. Dr. F. Moinfar Inst. f. klin. Pathologie und Molekularpathologie
Priv.-Doz. Dr. H. Rumpold, Hämatologie & Onkologie,

Ordensklinikum Linz Barmherzige Schwestern
 Seilerstätte 4, A-4010 Linz
 Probenanlieferung: Stifterstraße 3 (3. OG), A-4010 Linz
 Telefon: 0732 / 7677-7597
 Fax: 0732 / 7677-7537
 e-mail: LMGD@ordensklinikum.at
 Web: www.ordensklinikum.at/LMGD

Patientenetikette <input type="checkbox"/> ambulant <input type="checkbox"/> stationär Patient: Name, Geburtsdatum, Soz.Vers., Adresse, inkl. PLZ
--

Zuweisung zur onkogenetischen Diagnostik

Absender (bitte genaue Anschrift)	Material (Express Versand ungekühlt bei Frischmaterial)
Stempel / Arzt:	<input type="checkbox"/> Paraffinschnitte auf <u>Objekträgern</u> (entparaffiniert!) für <u>FISH</u> <input type="checkbox"/> Paraffin <u>Röllchen</u> (<u>2 Röhrchen</u> jeweils 5 Schnitte mit 10µM) <u>Molekulargenetik</u> <input type="checkbox"/> Natives Material (unfixiert) <input type="checkbox"/> Peripheres Blut (10 ml EDTA) <input type="checkbox"/> Peripheres Blut (für cfDNA Spezialröhrchen verwenden!) Histo Nr.: Datum der Probenentnahme:
Klinische Angaben / Diagnose	
<div style="float: right; text-align: right;"> <input type="checkbox"/> Erstdiagnose <input type="checkbox"/> Verlauf <input type="checkbox"/> Rezidiv <input type="checkbox"/> Therapie Stadium..... </div>	
(Anteil pathologischer Zellen: %) !! unbedingt erforderlich !!	

Über weitere Gene in den jeweiligen Panels informieren wir Sie gerne bzw. finden Sie diese auf unserer Homepage

Für folgende Untersuchungen (außer MSI und MLH1- Methylierung) **ist eine Einverständniserklärung mitzusenden** (Homepage):

Mutationsanalyse an Gewebe

Gastrointestinale Tumore

- 48 Gene inkl. KRAS, NRAS, BRAF, KIT, PDGFRA, RAS u.a.
- MSI (**Vergleichsgewebe plus Tumor!**)
- MLH1-Methylierung

Mammakarzinom

- 500 Gene inkl. BRCA, PIK3CA, Fusionsgene u.a.
- ERBB2/HER2neu FISH

Pankreaskarzinom

- 500 Gene inkl. BRCA, HRD Score

Ovarialkarzinom

- 500 Gene inkl. BRCA, HRD Score

Diverse Tumore, Mutationssuche

- TSO500 (500 Gene inkl. Translokationen, Amplifikationen, MSI, TMB)
- optional inkl. HRD Score (genomische Instabilität, GIS)

Endometriumkarzinom

- 500 Gene inkl. BRCA, PIK3CA, Fusionsgene, MSI u.a.
- MLH1-Methylierung
- POLE

Lungenkarzinome

- 500 Gene inkl. EGFR, BRAF, ERBB2, MET, ALK, ROS u.a.
- FISH (ALK / ROS / MET)
- EGFR T790 Resistenz

Melanom

- 48 Gene inkl. BRAF, NRAS, KIT u.a

Prostatakarzinom

- 500 Gene inkl. BRCA, HRD-Gene, MSI u.a.

Mutationsanalyse an cfDNA (Material peripheres Blut in Spezialröhrchen!)

Solide Tumore

- 28 Gene (Hotspots) inkl. ALK, BRAF, EGFR, ERBB2, ESR1, FGFR1/2/3, KIT, KRAS, MET, NRAS, PIK3CA, RET, TP53, ...

Erbliche Tumore (Material: peripheres Blut) – ! Einverständniserklärung ist unbedingt erforderlich !

- Hereditäre Tumorerkrankung Next Generation Sequencing, MLPA, SangerSeq
 - BRCA1/2 solitär
 - HBOC (erweitertes Panel inkl. BRCA1/2)
 - Lynch-Syndrom
 - MEN1/2
 - andere Gene/Entitäten.....